

指導單位

MOST 科技部、衛生福利部、IDB 經濟部工業局

主辦單位

TME 台灣微菌聯盟、臺北榮民總醫院、
台灣微菌聯盟



經濟部生技醫藥產業發展推動小組、



國立陽明大學生醫資訊研究所

協辦單位



科技部補助生命科學研究推動中心

12/5 SAT.
2020

臺澳生醫產業交流會議 - 微菌叢精準醫療技術之最新發展

Taiwan-Australia Symposium on Microbiota Biomedical Exchange - Advances and Applications in Microbial Precision Medicine Technologies

邀請講者

Professor, Emad El-Omar, Editor in Chief, Gut (視訊)
Updating Microbiota Research

阮雪芬 特聘教授 / 台大生科系

Characterizing the cancer-associated microbiome with small RNA sequencing data

邱世浩 研究員 / 食工所生資中心

從基因體序列轉譯安全性資訊: 以腸道益生菌為例

Kshitij Tandon 博士後研究員 / 中研院生物多樣性研究中心

Working with Meta-barcoding and Metagenomic datasets,
bittersweet experience to understand hidden microbial diversity

Dr Alena Pribyl, Senior Scientist, Microba (視訊)

Empowering innovations in healthcare through precise measurement of the microbiome

江殷儒 副研究員 / 中研院生物多樣性研究中心

厭氧菌的代謝新功能: 性固醇的相互轉換

林稚容 博士後研究員 / 長庚大學醫技系

Gut commensal Parabacteroides goldsteinii ameliorates chronic
obstructive pulmonary disease

Naohisa Wada 博士後研究員 / 中研院生物多樣性研究中心

Visualizing the localization of symbiosis and pathogen in marine organisms of coral reef

黃建勳 研究員 / 食工所生資中心

細菌學名鑑定最新現況: 以鑑定一株分離自台灣健康人之本土腸道微菌新種為例

舉辦緣起

隨著科學研究的進展，人們越來越確定人身上所帶有的基因，相較於人體內微菌叢基因只是很小的一部分，也因此，人體內微菌對於人體健康及疾病扮演的角色越來越受重視，過去十幾年來，隨著美歐等國紛紛展開大型國家層級的微菌叢相關研究，尤其是搭配近幾年次世代定序技術的進步，基因體學的研究技術在提升人體微菌叢研究的定性定量研究量能，已是各國兵家必爭之地。而對於此一甫於發展萌芽期的研究領域，尤其是在進行總體基因體學分析研究所遭遇的高通量資料處理分析及多樣態的研究變異時，在包括演算分析、統計評估、標準化、研究信效度等生醫資訊方法均仍有待更進一步的有效解決方案，此外，受定序分析的敏感性及穩定性影響，前端的微菌叢樣本的收集、保存、處理、確效等亦是影響後端定序分析重要的決定要項，另對於實驗室中無法培養的菌種，更需要找到可行的生物試驗方法以利提供未來可能的研究方向。



本次活動一律採線上報名(報名及繳費說明請至台灣微菌聯盟網站活動專區詳閱)

報名費用

- 會員免費，會員需完成繳交109年常年會費 1,000元
- 主 / 協辦單位人員、全職學生、團體會員員工 1,500元

③ 非會員 3,000元

報名自即日起至11月15日截止